العنوان:

العلاقة بين متلازمة تكييس المبايض والتغيرات الجينية المصاحبة للسمنة في المملكة العربية السعودية

اعداد:

اسماء احمد باطرفى

اشراف:

د. شیرین محمد باخشب

المستخلص

متلازمة تكبيس المبايض هي اضطرابات شائعة في الغدد الصماء تسبب العقم عند النساء في سن الإنجاب. يعتقد أن متلازمة تكيس المبايض تتأثر بالعوامل البيئية والوراثية ، كما أنها مرتبطة بشكل كبير بالسمنة. تم الكشف عن وجود ارتباط بين السمنة والتغيرات الجينية في جيني Melanocortin 4 receptor (MC4R) و Fat mass and obesity (FTO) خصوصا في النساء المصابات بالمتلازمة. لذلك ، نحن نهدف إلى تحديد تكرارات النمط الجيني والاليلات في تغيرات مختارة من MC4R و FTO في النساء المصابات بالمتلازمة والبحث في علاقة تلك التغيرات بالمتلازمة وخصائصها السريرية. أجريت الدراســة على ٩٥ انثي مصـــابة بالمتلازمة و ٩٤ انثي ســليمة. تم إجراء التنميط الجيني عن طريق تفاعل البوليميريز المتسلسل اللحظي و OpenArray باستخدام كاشف تاغمان. في MC4R ارتبطت التغيرات rs12970134 و rs17782313 و مع مؤشر كتلة الجسم (P < 0.0001) في النساء المصابات. كانت أليلات الخطر A في rs12970134 و C في rs17782313. ايضا ، وجدنا أن الأنماط الوراثية الأخرى ، AG / GG لـ rs17782313 و TT / TT لـ rs17782313 ، كانت مرتبطة بارتفاع هرمون الخصوبة، فرط الأندروجين ، الشعرانية ، وفقدان الشعر في النساء المصابات. في FTO ارتبطتrs9930506 ، rs1421085 ، rs1421085 ، rs17817449 و rs9930506 بشكل كبير مع قابلية حصول المتلازمة rs1421085 dTT / CT على التوالي. وجدنا ايضا ارتباط بين TT / CT ل rs1421085 و و rs1421085 و التوالي. rs8050136 مع ارتفاع مؤشر كتلة الجسم في النساء المصابات. ايضا ، ارتبطت rs8050136 و rs17817449 مع و $^{\circ}$ و $^{\circ}$ في rs17817449 . في الختام ، ترتبط تغيرات rs12970134 *MC4R* وrs17782313 ، مع ارتفاع مؤسر كتلة الجسم والمتغيرات السـريرية الأخرى في مرضــي المتلازمة ولكنها لاترتبط بالمتلازمة نفســها. ايضـــا ، ترتبط تغيرات FTO rs9939609 ، rs1421085 ، rs17817449 ، و rs9930306 بالمتلازمة نفسها، ارتفاع مؤشر كتلة الجسم وفقدان الشعرفي النساء المصابات.

Title:

Correlation between Polycystic Ovary Syndrome and Genetic Variations Associated with Obesity in The Kingdom of Saudi Arabia

By: Asma Ahmed Batarfi

Supervised by

Dr. Sherin Mohamed Bakhashab

Abstract

Polycystic ovary syndrome (PCOS) is an endocrine disorder causing infertility in reproductive-age women. PCOS is thought to be influenced by environmental and genetic factors, and greatly related to obesity. Melanocortin 4 receptor (MC4R) and Fat mass and obesity (FTO) genes polymorphisms were detected to be associated with obesity, particularly in PCOS women. Therefore, we aimed to determine the genotype and allele frequency of selected MC4R and FTO variants in PCOS and investigate their association with PCOS and its clinical variables. A casecontrol study was conducted on 95 PCOS cases and 94 controls. Genotyping was performed by real-time polymerase chain reaction (PCR) and OpenArray® using TaqManTM Genotyping assays. MC4R rs12970134 and rs17782313 were significantly associated with body mass index (BMI >30 kg/m², p < 0.0001) in PCOS women. Risk alleles were A for rs12970134 and C for rs17782313 that were associated with high BMI (>30 kg/m²) in the homozygous state. Additionally, the genotypes, AG/GG for rs12970134 and CT/TT for rs17782313, were associated with anti-Müllerian hormone, hyperandrogenism, hirsutism, and loss of hair in PCOS. FTO rs17817449, rs1421085, rs9939609, and rs9930506 variants were significantly associated with PCOS susceptibility (p < 0.0001, p = 0.003, p < 0.0001, p < 0.0001) respectively. The TT/CT genotypes for rs1421085 and CC genotype for rs8050136 were associated with high BMI in PCOS women. Moreover, rs8050136 and rs17817449 were significantly associated with loss of hair in PCOS group (p=0.013, p=0.038 respectively). Risk alleles were C in rs8050136 and G in rs17817449 were associated with loss of hair in PCOS patients in homozygous state. In conclusion, MC4R variants rs12970134 and rs17782313, were correlated with elevated BMI and other clinical variables in PCOS but not with PCOS itself. The FTO variants rs17817449, rs1421085, rs9939609, and rs9930506 are associated directly with PCOS, elevated BMI and loss of hair in PCOS patients.